



# Zpráva NRL ke dni 22. 04. 2024

SARS-CoV-2: mikrobiologická situace v ČR, chřipka – situace v ČR a Evropě  
NRL pro chřipku a nechřipková respirační virová onemocnění

## Obsah:

SARS-CoV-2 evropská sekvenační data, aktuální situace	Strana 2 – 4
ARI/ILI Evropa ECDC, WHO v 15. KT	Strana 5 - 6
ARI/ILI –virologická surveillance v ČR v 16. KT	Strana 7 - 8
Závěr: ARI/ILI v Evropě a v ČR	Strana 9

## Zastoupení detekcí sledovaných variant

### VOC/VOI

VOI GRA (JN.1+JN.1.x) poprvé detekován v Lucembursku/ Islandu

Omicron GRA (B.1.1.529+BA.x) poprvé detekován v Botswaně/Hong Kongu/JAR

VOI GRA (BA.2.86+BA.2.86.x excluding JN.1, JN.1.x) poprvé detekován v Dánsku/Izraeli/USA

VUM GRA (XBB.2.3+XBB.2.3.x) poprvé detekován v Indii/USA



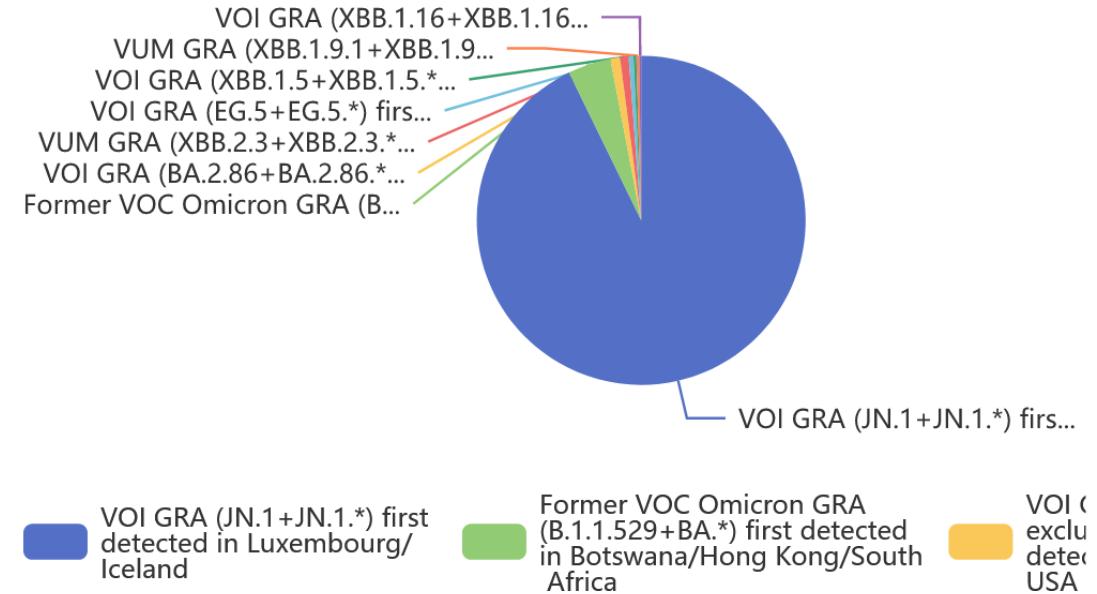
### Podíl

92.76%

4.25%

0.94%

0.85%



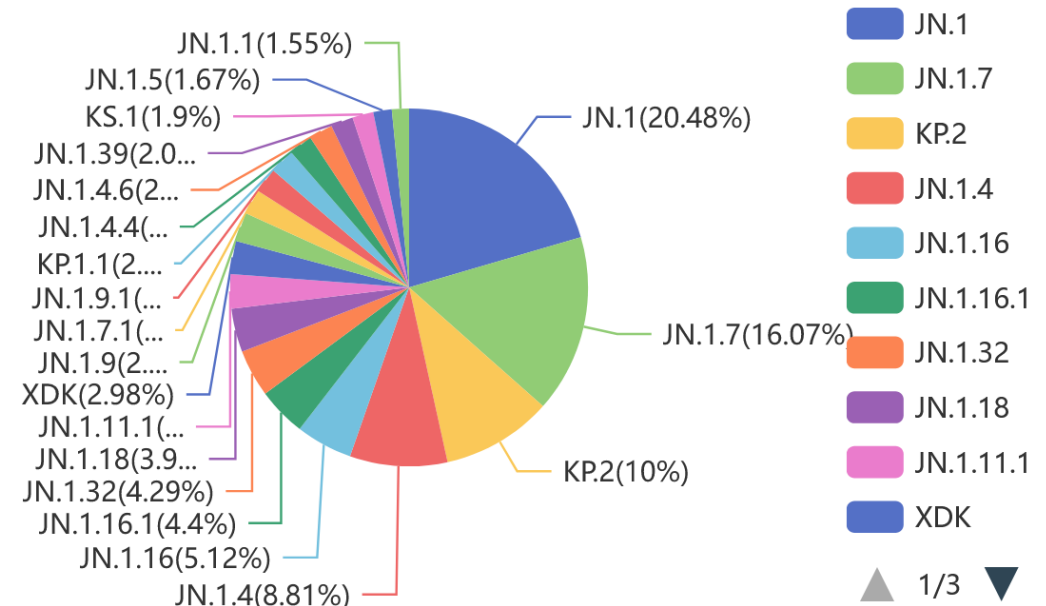
## 20 nejčtenějších variant v Evropě od 22. 3. 2024

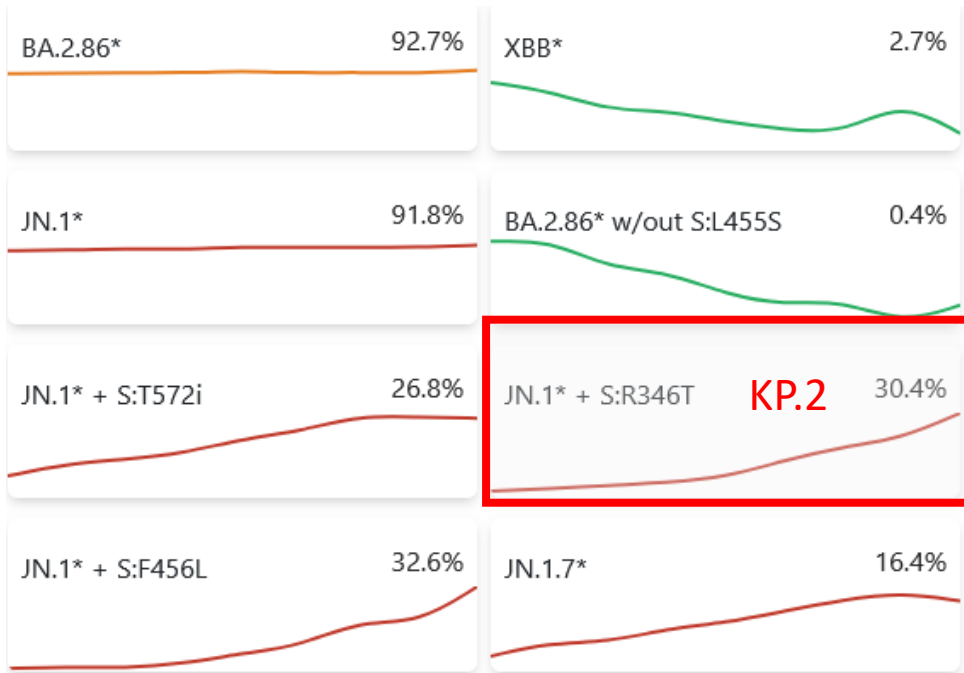
Celkem 1 064 WGS

### Dominující varianty

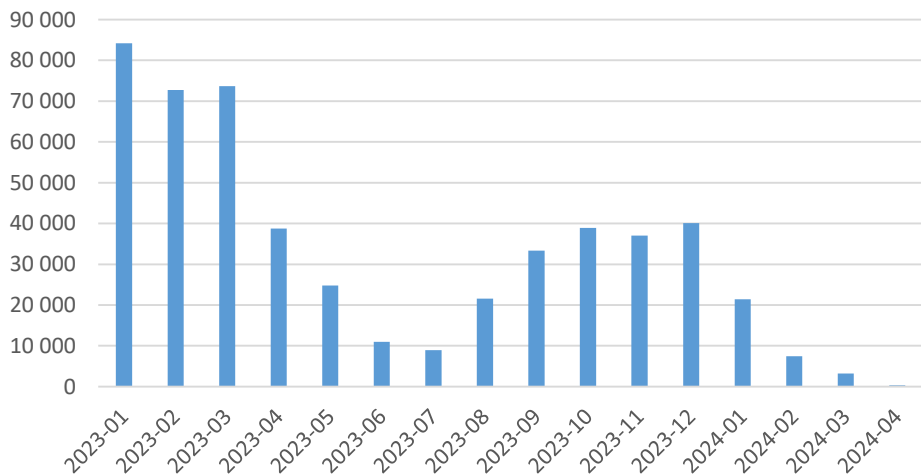
- JN.1 – 20,48 %
- JN.1.7 – 16,07 %
- KP.2 – 10,00 %

VUM KP.x (JN.x + R346T) více než 30,4 %

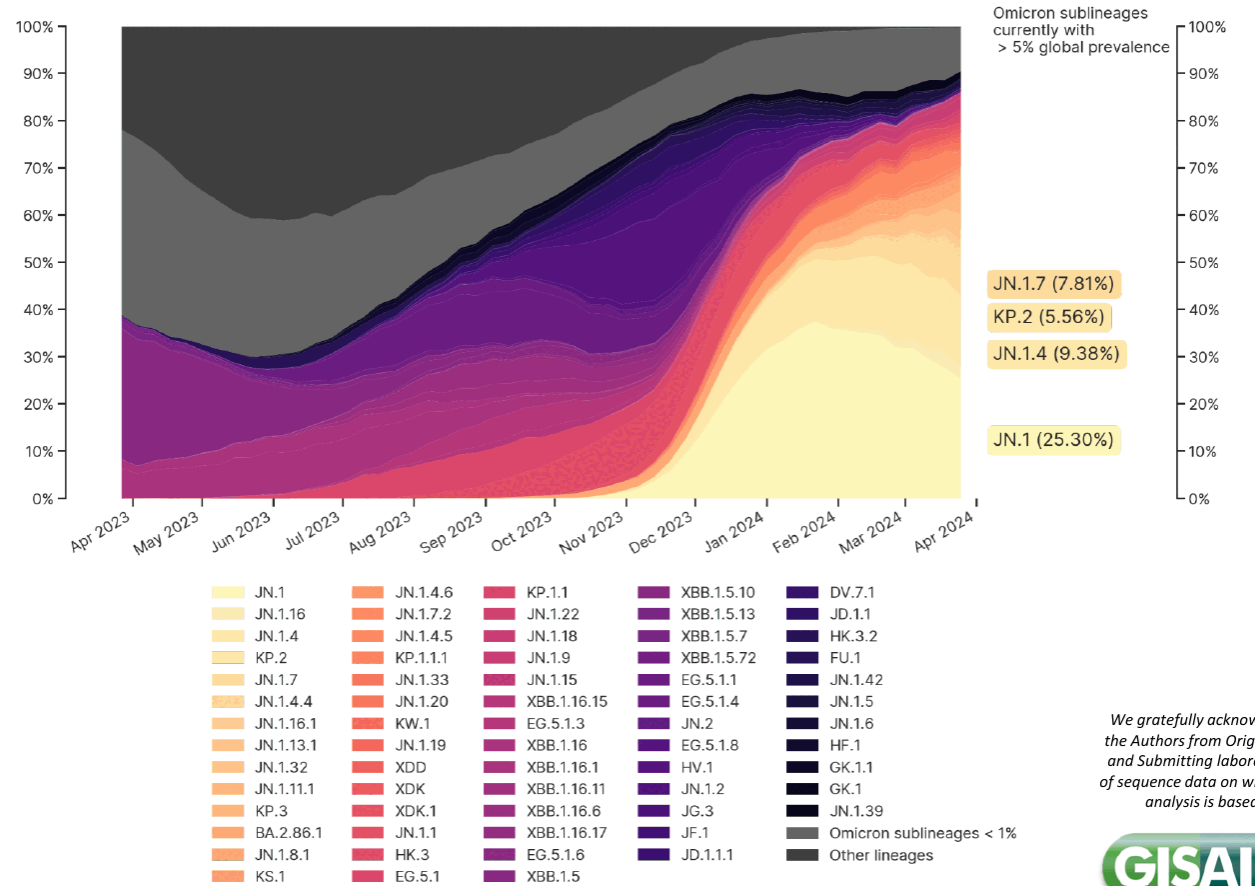




Počet osekvenovaných vzorků za Evropu



Timecourse of Omicron variant sublineage distribution  
2024-04-16



See <https://www.who.int/en/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants/> for variant information and definitions.

We gratefully acknowledge the Authors from Originating and Submitting laboratories of sequence data on which the analysis is based.

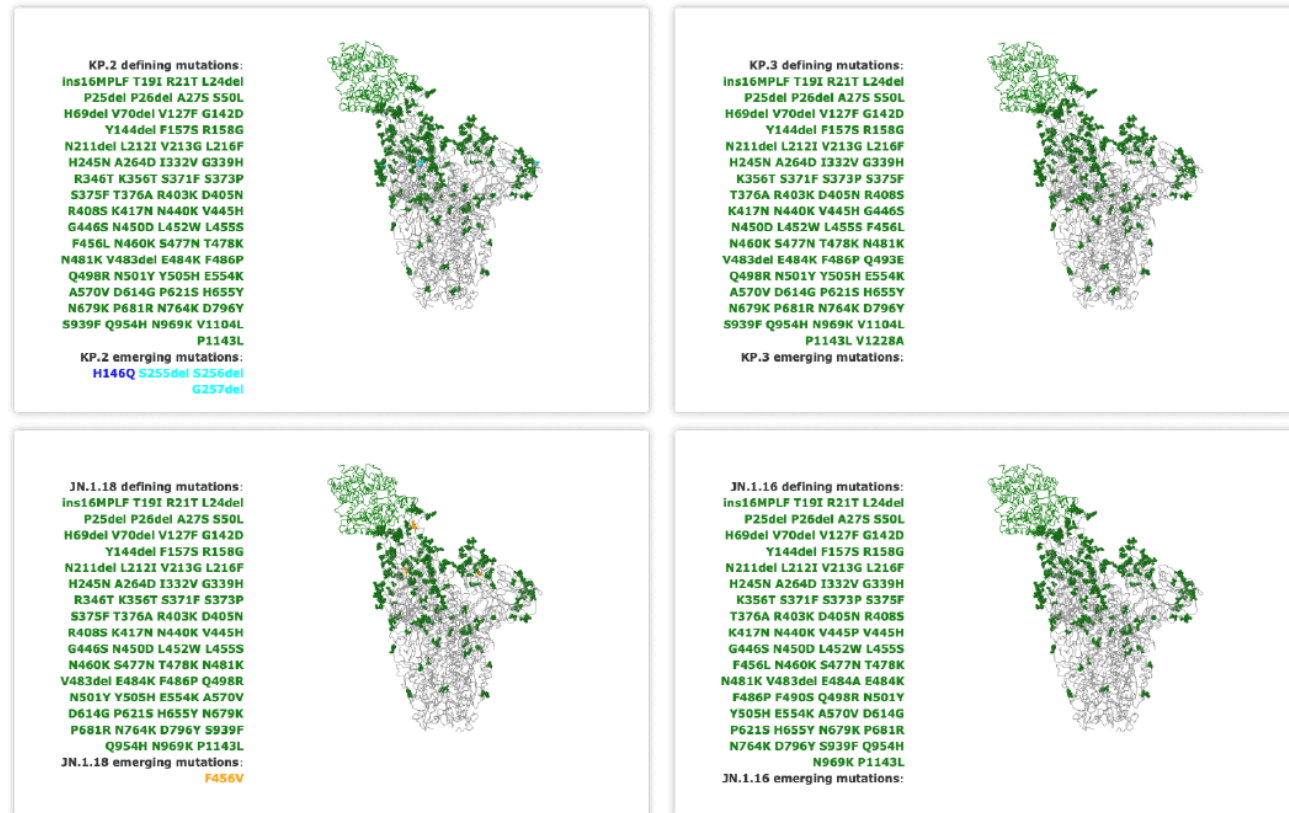


by BII/GIS, A\*STAR Singapore

## Spike glycoprotein mutation surveillance 2024-04-16

Changes in the spike glycoprotein for the top 4 spreading lineages based on 1,643 sequences collected in the past 60 days.

Full list at [www.gisaid.org/spike](http://www.gisaid.org/spike)



Numbering relative to start codon 21,563 in hCoV-19/Wuhan/WIV04/2019

- Spike glycoprotein variation found in ≤ 100 sequences
- Spike glycoprotein variation found in >100 sequences
- Spike glycoprotein variation found in ≥ 10% of sequences from the lineage

**lineage defining mutations:** amino acid changes found in ≥ 10% of sequences in the lineage

- Spike glycoprotein variation near host receptor, or other functional annotation
- Insertion/deletion
- Spike glycoprotein variation altering potential N-glycosylation sites

**lineage emerging mutations:** amino acid changes found in <10% of sequences in the lineage that are also found in top 50 emerging constellations by Spread and top 20 emerging constellations by Acceleration (See emerging variant analysis for details)

We gratefully acknowledge the Authors from Originating and Submitting laboratories of sequence data on which the analysis is based.

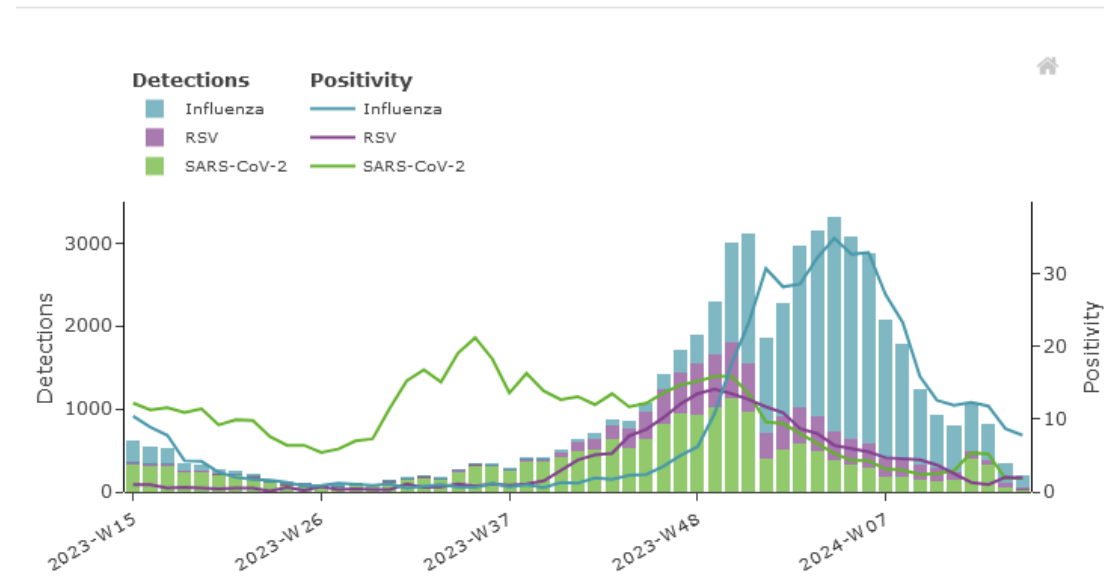


- Surveillance v primární a sekundární péči ukazuje, že respirační aktivita ve většině zemí EU/EHP klesá.
- Aktivita sezónní chřipky na úrovni EU/EHP nadále klesá:
  - Čtyři týdny po sobě zůstala pozitivita chřipky v primární péči v zemích EU/EHP pod 10 %, přičemž 83 % zemí hlásilo pozitivitu pod prahem epidemie. Chřipková pozitivita v sekundární péči byla rovněž pod 10 % a nadále klesala.
  - Většina zemí nyní hlásí bazální nebo nízkou úroveň intenzity chřipky a bazální hodnoty chřipce podobných onemocnění (ILI). Země nadále hlásí různé geografické rozšíření, což naznačuje pokračující heterogenitu chřipkové aktivity.
  - V 15. týdnu představovala chřipka typu B 84 % zjištěných virů chřipky v zemích EU/EHP. Tři týdny po sobě bylo detekováno více chřipky B než chřipky A, i když detekce zůstávají nízké a nadále klesají, přičemž pouze jedna země hlásila zvýšenou aktivitu způsobenou chřipkou B.
- Aktivita RSV nadále klesala na nízkou úroveň ve většině hlásících zemí EU/EHP.
- Aktivita SARS-CoV-2 zůstala nízká ve všech zemích EU/EHP.

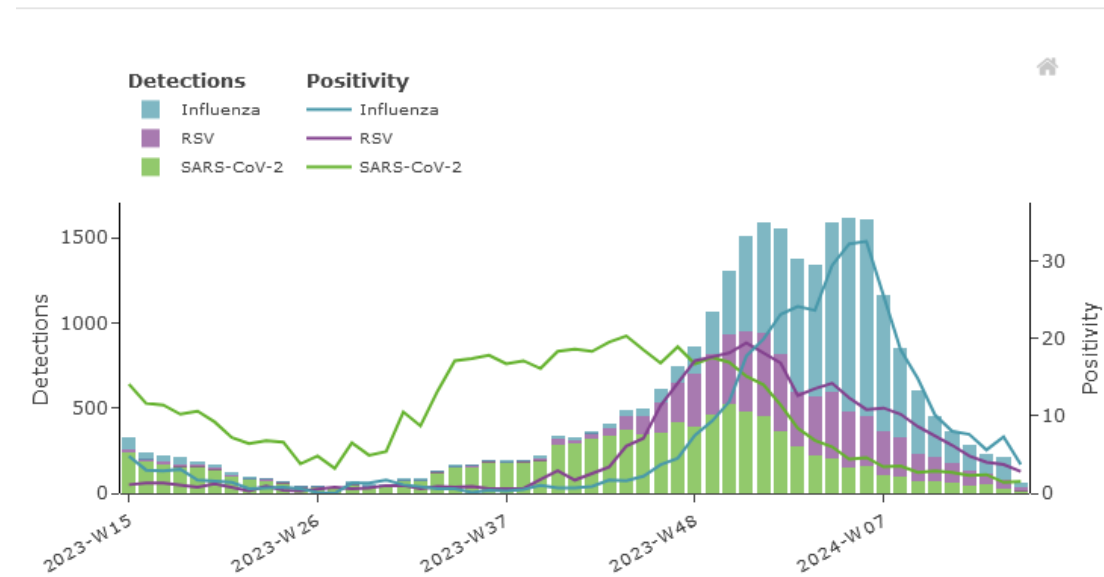
Procentuální podíly pozitivních záchytů ARI/ILI u pacientů v sentinelové péči:

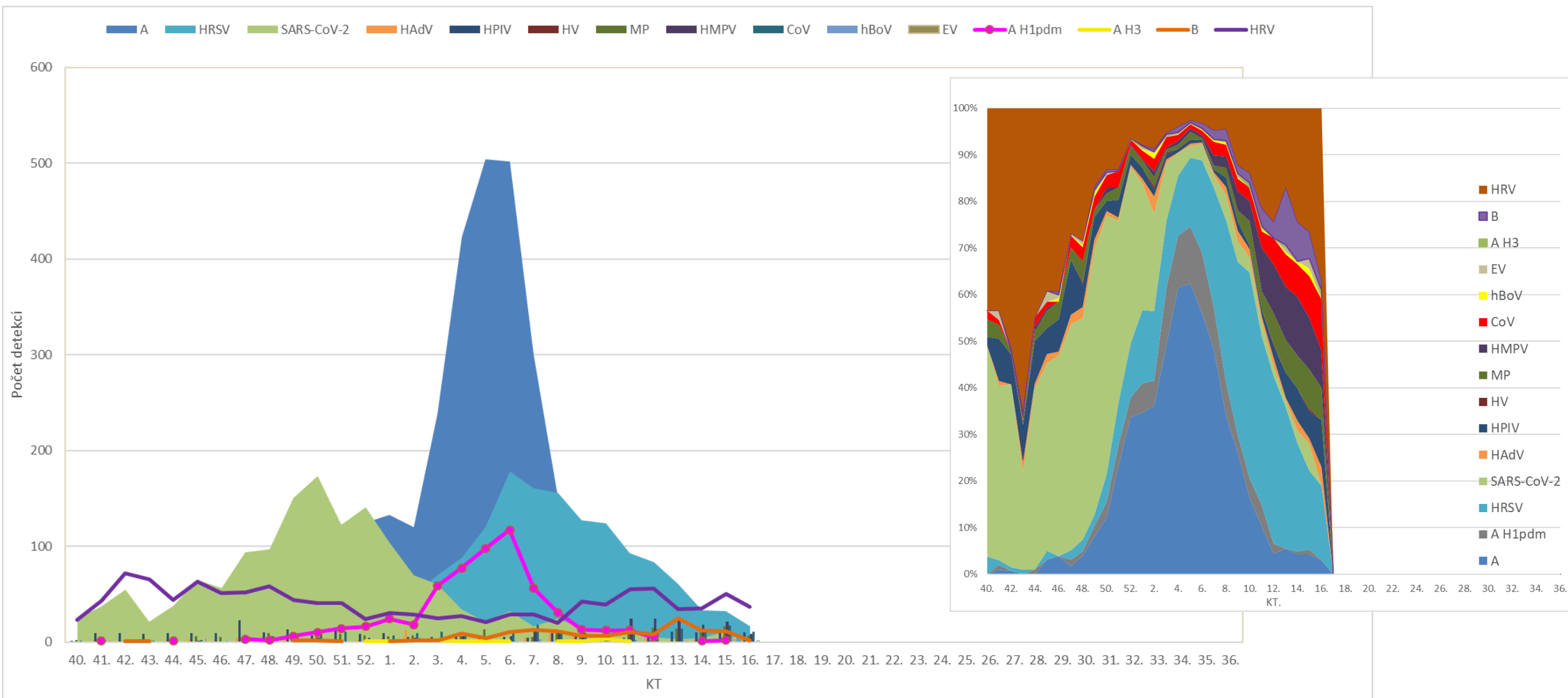
- Chřipka zůstala pod 10% epidemickým prahem, a to na 8% ve srovnání s 9% v předchozím týdnu. Střední míra positivity byla 6 % pro 25 zemí (rozsah: 0 %–40 %) a 7 zemí uvedlo alespoň 10 %. Nárůst positivity chřipky byl tento týden pozorován v 6 hlásících zemích.
- Záchyt SARS-CoV-2 byl na stejné úrovni jako v předchozím týdnu (2 %). Střední míra positivity byla 0 % pro 23 zemí (rozsah: 0 %–15 %). Nárůst positivity SARS-CoV-2 byl tento týden pozorován ve 4 hlásících zemích: Polsko (15 %), Srbsko (12 %), Moldavská republika (8 %) a Norsko (3 %).
- Záchyt RSV byl stejně jako v minulém týdnu 2%. Střední míra positivity byla 0 % pro 21 zemí (rozsah: 0 %–15 %). Nárůst positivity RSV byl tento týden pozorován v 5 zemích: Česko (15 %), Moldavská republika (8 %), Ruská federace (7 %), Dánsko (5 %) a Německo (4 %).

Primary care sentinel testing



Secondary care sentinel testing





Legenda: A – Influenza A; B – Influenza B; HRSV - Respirační syncytiální virus; HAdV – Adenovirus; HPIV – Parainfluenza; HV - Herpetické viry; MP – Mycoplasma; HMPV – Metapneumovirus; CoV – Coronavirus; HRV – Rhinovirus; hBoV – Bocavirus; EV – Enterovirus; SM - Smíšená infekce

- V kumulované sentinel a nonsentinelové virologické surveillace byl v 16. KT zaznamenán další pokles pozitivních detekcí i počtu vyšetřených vzorků.
- Detekce virů chřipky typu A (včetně subtypů) zůstává na nízké úrovni pouhých 4 %, současně je zaznamenán i pokles detekce virů chřipky B (2 %).
- V 16. KT jednoznačně dominovaly rhinoviry (35 %), došlo k mírnému poklesu RSV (15 %) a k mírnému vzestupu záchytů sezónních koronaviřů (10 %), které byly třetím nejčastěji detekovaným patogenem.
- SARS-CoV-2 byl detekován u 6 % pozitivních záchytů.

Legenda: A – Influenza A; B – Influenza B; HRSV - Respirační syncytiální virus; HAdV – Adenovirus; HPIV – Parainfluenza; HV - Herpetické viry; MP – Mycoplasma; HMPV – Metapneumovirus; CoV – Coronavirus; HRV – Rhinovirus; hBoV – Bocavirus; EV – Enterovirus; SM - Smíšená infekce

Kalendářní týden (KT)		15.	15. KT úplná data	16.	16. KT neúplná data
Detekce viru	A	8	5 %	3	4 %
	A H <sub>1</sub> pdm	2		0	
	A H <sub>3</sub>	0		1	
	B	11	5,6 %	2	2 %
	HRSV	32	16 %	16	15 %
	HAdV	2		4	
	HPIV	11	5,6 %	10	9 %
	HV	1		0	
	MP	16	8 %	7	6,5 %
	HMPV	21	11 %	8	7,5 %
	CoV	17	9 %	11	10 %
	HRV	50	25 %	37	35 %
	hBoV	3		0	
	EV	4		1	
	SARS-CoV-2	11	5,6 %	0	6 %
	SM	8		7	
	negativní	916	82 %	456	81 %
<b>Celkový počet vyšetření:</b>		1113		563	
<b>Celkový počet pozitivních</b>		197		107	



- Aktivita sezónní chřipky na úrovni EU/EHP stále klesá.
- V 15. KT byl v zemích EU/EHP záchyt virů chřipky pod 10 %.
- Aktivita RSV i SARS-CoV-2 ve většině zemí EU/EHP nadále klesala a dosahovala pouhých 2 %.
- V kumulované sentinel a nonsentinelové virologické surveillanci byl v 16. KT v ČR zaznamenán další pokles pozitivních detekcí i počtu vyšetřených vzorků.
- Detekce virů chřipky typu A (včetně subtypů) zůstává na nízké úrovni (4 %), současně je zaznamenán i pokles detekce virů chřipky typu B (2 %).
- V 16. KT v ČR jednoznačně dominovaly rhinoviry (35 %), došlo k mírnému poklesu RSV (15 %) a k mírnému vzestupu záchytů sezónních koronavirů (10 %), které byly třetím nejčastěji detekovaným patogenem.
- SARS-CoV-2 byl detekován u 6 % pozitivních záchytů.